

RNA-seq解析実践編 ～ 公開データを用いた解析をステップ毎に解説～

次世代シーケンサーによるRNA-seq解析を研究に取り入れたい研究者を対象に、クオリティコントロール、発現定量、群間比較、パスウェイ解析、GO解析の解析結果と解釈の方法を解説いたします。

スタンダードな解析に加え、研究テーマに応じてどのように深掘りできるのか、公開データの事例を交えて、実践的なノウハウをご紹介します。

本セミナーでは、RNA-seq解析の解析結果を受け取った方、専門用語を理解したい方、RNA-seq解析の難易度を知りたい方に向けて、丁寧に解説いたします。

日時： 2024年12月05日(木) 16:00-17:00

開催形態： オンライン (Zoom)

講師： アメリエフ株式会社 代表取締役CEO
山口昌雄様

言語： 日本語

対象者： 学内者はどなたでも可
学外者は2024年度iSAL利用登録者のみ

申込方法： 以下のURLからお申込みください。

https://amelieff.jp/241205_kyoto/

締切： 2024年12月04日(水) 13:00

* 締め切り後、申込者全員にZoom接続情報等をメールでお知らせします。

* 本セミナーはアメリエフ社様のご厚意により、セミナー終了後1カ月間、申込者限定でアーカイブ配信されます。

上記日時に参加できない方もお申込みいただければ後日視聴可能です。

=== 説明会の内容に関する問い合わせ先 ===

アメリエフ株式会社
E-mail: publicity@amelieff.jp
URL: <https://amelieff.jp/enquiry/>

=== 説明会の申し込みに関する問い合わせ先 ===

京都大学大学院医学研究科 医学研究支援センター
遺伝情報解析室 (担当: 出縄)
E-mail: infoseq@support-center.med.kyoto-u.ac.jp
URL: <http://support-center.med.kyoto-u.ac.jp/SupportCenter>



申込