

フラグメント解析セミナー

キャピラリーシーケンサーはサンガー法によるDNAシーケンス解析だけではなく、フラグメント解析にも使用されています。一口にフラグメント解析といってもそのアプリケーションはマイクロサテライト解析、キメリズム解析、コピー数解析 (MLPA法)、メチル化解析、SNP解析など多岐に渡り、近年その有用性が再注目されています。

本説明会ではサーモフィッシャーサイエンティフィック社から講師をお迎えし、フラグメント解析の様々なアプリケーションについて解説して頂きます。皆様のお申込をお待ちしております。

日時：2024年5月28日(火) 15:30-16:45

開催形態：オンライン (Zoom)

講師：草野順子様
(サーモフィッシャーサイエンティフィック社)

申込方法：以下のURLからお申込みください。
<https://forms.gle/trd9yucEm4Q5hUnHA>

締切：2024年5月27日(月) 17:00

- * 締め切り後、申込者全員にZoom接続情報等をメールでお知らせします。
- * 遺伝情報解析室が提供するDNAシーケンス受託解析は京都大学内限定サービスですが、本セミナーは学外の方も参加可能です。



申込

===== セミナーに関する連絡先 =====

京都大学大学院医学研究科 医学研究支援センター
遺伝情報解析室 (担当: 出縄)

メール：infoseq@support-center.med.kyoto-u.ac.jp

URL：http://support-center.med.kyoto-u.ac.jp/SupportCenter/dna