

分析機器講習会のお知らせ

次世代シーケンス解析ソフトウェア

CLC Genomics Workbench

ハンズオントレーニング

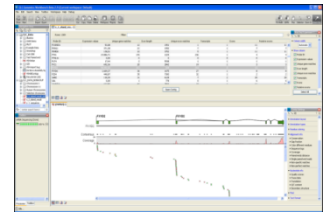
すぐに始められる！
次世代シーケンス解析！！

パーソナルシーケンサーの登場により、次世代シーケンサーがますます幅広い分野で利用されています。一方で、得られた大量のデータをどのように解析するかが重要なポイントとなります。CLC Genomics Workbenchは国内外問わず、多くの研究者の方に利用されている次世代シーケンス解析ソフトウェアです。本トレーニングでは、これまでデータ解析にはあまり携わっていなかった人、次世代シーケンサーのデータ解析をこれから始める方を対象に、CLC Genomics Workbenchを使用した次世代シーケンサーのデータ解析を実際のハンズオン形式で一緒に体験し、解析がどのような流れで進められるのかを2日間に分けて学習します。1回目はRNA-Seq解析、2回目はMapping解析とSNPコール解析を中心に、初心者の方にも分かりやすくご説明致します。（*1回目、2回目は独立した講習です。参加はそれぞれ別に受け付けます。）

【第43回説明会】RNA-Seq解析

2013年 6月 11日 (火) 13:30 ~ 16:00

次世代シーケンサーによる発現解析を小さなデータセットを使い体験します。RNA-seqを行い、発現量の計算を行います。グループ間での有意差を出すための統計ツールまでを使い方、それぞれの原理をご紹介します。



【第44回説明会】Mapping解析とSNPコール

2013年 6月 12日 (水) 13:30 ~ 16:00

シーケンサーから得られたリードを参照配列にマッピングし、変異を検出しアミノ酸置換の有無を調べ、公共のデータベースとの比較までを体験します。その後変異へのアノテーション付けや、複数サンプルの変異比較についても簡単に紹介します。



お申込みについて

【定員】 各 8 名 (事前登録制：希望者多数の場合は調整します)

【開催場所】 医学部F棟301号室

【お申し込み先】 件名に「第43回説明会参加申込」もしくは「第44回説明会参加申込」と明記し、メール本文に氏名・所属名(研究室名等)を明記の上、下記アドレス宛にお送りください。

ハンズオントレーニングですので、事前にお持ちのノートパソコンにGenomics Workbenchのトライアル版をダウンロード・インストールしておいてください。

トライアル版ダウンロード→<http://www.clcbio.com/index.php?id=83>